

유전체 해독 대상 미생물 일반 정보 기록 양식 설명서(v1.1)

설계자: 정해영(한국생명공학연구원) hyjeong@kribb.re.kr

최초 작성일: 2017년 3월 15일, 최종 수정일: 2017년 3월 17일

이 양식은 병원성이 확인되지 않은 일반 미생물 균주(monoisolate)의 메타정보 기록을 위하여 고안된 것으로서 다년간의 미생물 유전체 프로젝트 경험과 NCBI BioProject 및 BioSample(Microbe v1.0 standard package) 등록 양식을 참조하였습니다. 해당사항이 없거나 정보를 알기 어려운 경우 NA로 기록해 주십시오.

1. **학명:** 공인된 명칭을 써야 합니다. 공인되지 않은 학명은 따옴표를 둘러주세요.

(예) *Escherichia coli*

(예) *Bacillus* sp.

(예) *Bacillus thuringiensis* subsp. *kurstaki*

(예) "Bacillus polyfermenticus"

※ pathovar/serovar 등의 정보가 있으면 뒷부분에 []로 표시해 주십시오.

(예) *Salmonella enterica* [serovar typhi]

2. **Strain or isolate name**

3. **균주 입수 경위:** 다음 중에서 하나를 골라 주십시오.

A: Culture collection에서 직접 구입하였음

B: 직접 분리하였음(자연 환경, 인공 환경, 미생물 포함 제품 등)

B-1: 생균 미생물 제제에서 직접 분리하였음

C: 연구재료를 공급하는 회사에서 판매하는 실험용 균주를 직접 구입하였음

D: 제3자로부터 입수함

Z: 기타(설명을 부가할 수 있습니다)

※ B-1, C, D의 경우 제공자 및 제품번호(있는 경우)를 기록해 주십시오. D의 범주에 해당하나 균주를 제공한 제3자가 이를 직접 분리·동정하여 culture collection에 기탁한바 있거나 culture collection으로부터 구입한 것을 제공한 경우 다음 4번 항목(culture collection 번호)을 기재해 주십시오.

(예) A

(예) B-1 (8809109672192, Korea Bio Chemical Co., Ltd.)

(예) C (Cat.# 9057, TaKaRa Bio Inc.)

(예) D (Dong-Woo Lee, Kyungpook National University)

※ 상품화된 미생물 제제에서 미생물을 분리하여 유전체를 해독하여 연구 목적으로 활용하려면 제조사의 허락이 필요할 수 있습니다. 이에 대한 책임은 균주 제공자에게 있습니다.

※ 균주를 직접 분리하지 않았다 하더라도(A, B-1, C, D) 균주의 분리원과 관련한 정보항목(9~13항)을 최대한 정확하게 기재해 주십시오.

4. **Culture collection 번호:** 없으면 NA로 표기합니다. Type strain이면 번호 뒤에 ^T 혹은 (T)를 꼭 표시해 주십시오.
(예) KCTC 2571
(예) ATCC 842(T)
5. **Availability(외부 연구자가 공식적으로 요청하여 본 균주를 입수할 수 있는 곳)**
(예) KCTC
(예) Seung-Hwan Park, KRIBB
6. **본 균주의 연구 목적:** 여러 균주에 대해서 같은 내용을 기재해도 됩니다.
(예) This is a non-toxic cyanobacterium that produces high amount of phycoerythrin. It also forms floating colonies during cultivation.
7. **본 균주의 특성:** 여러 균주에 대해서 같은 내용을 기재해도 됩니다.
(예) To elucidate the evolutionary and environmental adaptation of this strain.
8. **관련성:** Agricultural, Environmental, Evolution, Industrial, Medical, Model organism or Other 중에서 하나를 선택합니다.
9. **수집일:** YYYY, YYYY-mm, 또는 YYYY-mm-dd
10. **지리적 위치:** 균주를 분리한 지리적 위치(국가 또는 해양)입니다. 공식 국가명은 <http://www.insdc.org/documents/country-qualifier-vocabulary>를 참조하십시오. 한국은 South Korea입니다. 콜론(:) 뒤에 위치에 대한 상세한 정보를 기록할 수 있습니다. 위도와 경도 정보가 있으면 "(d[d.dddd] N|S d[dd.dddd] W|E)" 형태로 뒷부분에 추가해 주십시오.
(예) Canada: Vancouver
(예) Germany: halfway down Zugspitze, Alps
(예) South Korea: Lake Seo, Suwon, Gyeonggi (37.2767 N 126.9908 E)
11. **샘플 타입:** cell culture, mixed culture, tissue sample, whole organism, single cell, metagenomic assembly 중에서 하나를 선택합니다.
12. **Host:** 균주를 분리한 숙주(host)의 학명을 기록합니다. 해당사항이 없으면 NA로 표기합니다.
(예) *Homo sapiens*
13. **분리원:** 이 균주를 채취한 물리적, 환경적, 지리적 원천을 기술합니다.
(예) soil, compost, stool, compost...

14. **유전체 서열 저자명:** 여러 군주에 동일한 저자명을 부여해도 좋습니다. 이니셜을 쓰지 말고 first name - last name의 순서로 기재하되 여러 명이면 세미콜론(;)으로 구분해 주십시오. 논문에 사용하는 공식 영어 이름을 사용해 주십시오.

(예) Haeyoung Jeong

(예) Gil Dong Hong; Soon-sin Yi

15. **논문 정보:** 본 군주의 분리 및 특성에 관한 논문을 이미 출판한 경우 PMID/DOI 번호. 향후 업데이트 가능합니다. 여러 개가 있을 경우 세미콜론(;)으로 구분해 주십시오.

16. **기타 필요한 사항(필수는 아님)**

① 16S rRNA sequence(NCBI에 등록된 상태라면 accession number)

② 이미 NCBI에 유전체 염기서열 정보가 등록되어 공개 전의 상태라면 BioProject, BioSample 및 WGS의 accession number(세미콜론으로 구분)

③ 기타 필요하다고 인정되는 정보. 다음 사이트의 패키지를 참조하여 추가할 수 있습니다. => <https://www.ncbi.nlm.nih.gov/biosample/docs/packages/>

※ 필요하다면 별도의 파일에 작성하셔도 됩니다.